



XXXVI CONGRESSO PAULISTA DE FITOPATOLOGIA

Instituto Biológico - São Paulo, SP - 19 a 21 de Fevereiro de 2013

IDENTIFICAÇÃO MOLECULAR DAS ESPÉCIES DE *CERCOSPORA* DO MILHO / Molecular identification of the species of *cercospora* from maize. É.S.M. KOSHIKUMO¹; E. ALVES²; UFRGS-Depto. de Fitossanidade Av. Bento Gonçalves, 7712, CEP 91540-000 Porto Alegre/RS¹, UFLA-Depto. de Fitopatologia, CP 3037, CEP 37200-000, Lavras/MG ². Email: easmk@yahoo.com.br.

Nas lesões de cercosporiose podem-se encontrar: *Cercospora zeina* (CZ), *Cercospora zea-maydis* (CZM) e *Cercospora sorghi* f.sp. *maydis* (CS), sendo que, as duas primeiras são similares morfológicamente, dificultando a identificação. Desta forma, este trabalho visa identificar essas espécies através de *primers* específicos: CZ (5'-GCGACCCTGCCGTTT-3' 5'-CTCAGCCGGAGACTTCG-3') e CZM(5'-GCGACCCTGCCGTTT-3' 5'-AGCTCAGCCGGAGACTTT A -3'). O DNA foi extraído com o Kit e submetido à amplificação em PCR com volume de 50 µL, contendo 1 µL (20 a 25 ng) de DNA moldes. A PCR para 50 µL continha: 5µL 10x PCR buffer 100 mM Tris/HCl, 36,9µL de água deionizada, 1,6 µL MgCl₂ (25Mm), 1µL de dNTP mix (10 mM) 1µL de DNA, 2µL de cada *primer* específico. Para cada reação foi adicionado 0,5µL AmpliTaq DNA polymerase, posteriormente foi amplificado por 2 min a 94 °C, 30 ciclos de 94 °C por 45 s, 64 °C por 45s, e a 72 °C por 1 min, estendendo 10 min a 72° C. O marcador foi de 100 pb. Dos 33 isolados, 27 tiveram os fragmentos amplificados em 310 pb quando utilizou-se o *primer* específico CZ, enquanto os outros 15 isolados, apresentaram amplificação para CZM, quando utilizou o *primer* CZM. O isolado que não houve amplificação de nenhum fragmento quando se utilizou os *primers* específicos, foi considerado como sendo *C. sorghi* f.sp. *maydis*. Portanto, o uso de *primers* específicos é uma ferramenta viável e precisa para identificação das espécies de *Cercospora*.