



XL CONGRESSO PAULISTA DE FITOPATOLOGIA
Instituto Agrônomo - Campinas, SP
7 a 9 de Fevereiro de 2017

Seleção de genes de referência para estudos de expressão gênica por RT-qPCR no patossistema MPC/*Phyllosticta citricarpa*. Selection of reference genes for gene expression studies by RT-qPCR in MPC / *Phyllosticta citricarpa* pathosystem. T.A. LIMA^{1,2}, M.A. TAKITA¹, M.A. MACHADO¹, C.M. RODRIGUES¹. ¹Centro de Citricultura “Sylvio Moreira”/IAC, carolina@centrodecitricultura.br; ²FHOUniararas. A Mancha preta dos citros, causada pelo fungo *Phyllosticta citricarpa*, é uma das principais doenças no cenário citrícola. Apesar da sua importância, estudos sobre a modulação da expressão gênica na interação patógeno-hospedeiro são escassos. O PCR quantitativo em tempo real é uma importante ferramenta para esse tipo de estudo. Contudo, a acurácia dessa técnica depende do uso apropriado de genes de referência. O objetivo do trabalho foi avaliar a estabilidade de genes de referência, os quais já apresentaram expressão constitutiva em citros sob diversos estresses. Os genes avaliados foram: FBOX; SAND; GAPC2; ACT2; UPL7; PTB1; TUB; EF1 α , avaliados em diferentes estágios de infecção em *Citrus sinensis* (L.) Osb. pelo fungo. A estabilidade desses genes foi determinada de acordo com o algoritmo geNorm, qual determina o fator de estabilidade do gene normalizador (M). Nossos resultados mostraram que todos os genes apresentaram estabilidade nas condições avaliadas, porém o mais instável foi o SAND e os melhores candidatos foram EF1K e GAPC, sendo então considerados os genes mais indicados para a normalização em avaliações da expressão gênica de citros desafiados com *P. citricarpa*.

Apoio Financeiro: PIBIC/CNPq (115539/2016-6); Fapesp (2014/19375-7).